

PLATAFORMA BIOINFORMATICA

Resumen:

Plataforma de apoyo a la investigación cuya misión principal es impulsar el desarrollo de cualquier estudio de DNA/RNA a escala masiva, bien sea en humanos o en otros organismos.

Equipo: Responsable: Mikel Hernáez Arrazola 948.194.700 – Ext. 5000
Ubicación: Centro de Investigación Médica Aplicada m@il: mhernaez@unav.es
 Avda. Pío XII 55, Ed. CIMA, 31008 Pamplona (Navarra)
 Laboratorio B.20
www: <https://cima.cun.es/investigacion/plataformas-tecnologicas/bioinformatica>

Servicios:

- Diseño experimental. Asesoramiento para decidir el tamaño muestral, el diseño del estudio y la planificación de la metodología.
- Análisis de datos. Se realiza el procesado bioinformático de los datos obtenidos en diversas plataformas tecnológicas de alto rendimiento empleadas en el ámbito de la genómica y la proteómica (microarrays, secuenciación, PCR, etc.). En estos análisis se incluye la normalización, el análisis estadístico y la representación de los resultados. Los análisis más habituales son:
 - i. *Expresión diferencial de genes, miRNAs o lncRNAs.* La tecnología de procedencia de los experimentos puede ser microarrays (Affymetrix, Agilent), PCRs masivas (TLDAs de Applied Biosystem) o RNA-seq (Illumina, Ion Torrent).
 - ii. *Estudios de genotipado y de variación del número de copias del DNA mediante microarrays (Affymetrix) o secuenciación del DNA (Illumina).*
 - iii. *Caracterización de splicing alternativo* a partir de los datos obtenidos en experimentos de microarrays (Affymetrix) o RNA-seq (Illumina).
 - iv. *Interacciones proteína-DNA* a partir de experimentos de inmuprecipitación y microarrays (ChIP-chip) o secuenciación (ChIP-seq).
 - v. *Patrones de metilación de DNA* en experimentos con microarrays (Illumina Infinium).
- Ayuda a la interpretación de resultados. Una vez seleccionados los genes de interés se realizan estudios de asignación biológica funcional. Este tipo de análisis puede ser muy amplio y variará en función de los objetivos específicos de cada estudio.

Tarifas: En vigencia desde 01.09.2021

Grupo	Cód. INT	Cód. FNET	Descripción Prueba	INTERNA Idisna	EXTERNA	Ud. Fact
Diseño experimental	DE-ASESOR	PLA00219	Asesoramiento	40	50	Hora
Análisis de datos	AD-BIOINF	PLA00220	Hora de Bioinformático	50	55	Hora
	AD-EXPRESSION	PLA00221	Expresión diferencial	Bajo presupuesto (mín. 300€)		
	AD-GENOTIP	PLA00222	Genotipado o CN	Bajo presupuesto (mín. 1.000€)		
	AD-SPLI	PLA00223	Splicing alternativo	Bajo presupuesto (mín. 5.000€)		
	AD-CHIP	PLA00224	ChIP-seq	Bajo presupuesto (mín. 100€)		
	AD-METIL	PLA00225	Metilación diferencial	Bajo presupuesto (mín. 500€)		
	AD-OTROS	PLA00226	Otras peticiones	Bajo presupuesto		
Interpretación de resultados	IR-BIOINF	PLA00227	Hora de Bioinformático	65	70	Hora
	IR-INGENUITY	PLA00228	Ingenuity y contrastar resultados con datos públicos	Bajo presupuesto (mínimo 2.000€)		
Otros	OTROS	PLA00229	Proyecto a determinar BIOINFORMATICA	Bajo presupuesto		

Observaciones: Para cualquier cuestión puede contactar con ubioinformat@unav.es